

- [4] Siehe Lit. [2a, b, e, g].
- [5] R. H. Fairclough, C. R. Cantor, *Methods Enzymol.* **1978**, *48*, 347–379.
- [6] a) A. Yaron, A. Carmel, E. Katchalski-Katzir, *Anal. Biochem.* **1979**, *95*, 228–235; b) E. D. Matayoshi, G. T. Wang, G. A. Krafft, J. Erickson, *Science* **1990**, *247*, 954–958.
- [7] K. Omishi, T. Ikenaka, *J. Biochem.* **1986**, *99*, 291–294.
- [8] V. Ferro, M. Meldal, K. Bock, *J. Chem. Soc. Perkin Trans. 1* **1994**, 2169–2176.
- [9] C. Seigner, E. Prodanov, G. Marchis-Mouren, *Biochim. Biophys. Acta* **1987**, *913*, 200–209.
- [10] a) D. G. Drueckhammer, W. J. Hennen, R. L. Pedersen, C. F. Barbas III, C. M. Gautheron, T. Krack, C.-H. Wong, *Synthesis* **1990**, 499–525, zit. Lit.; b) S. Cottaz, C. Apparu, H. Driguez, *J. Chem. Soc. Perkin Trans. 1* **1991**, 2235–2241; c) C. Simiand, S. Cottaz, C. Bosso, H. Driguez, *Biochimie* **1992**, *74*, 75–79; d) B. Evers, P. Mischnick, J. Thiem, *Carbohydr. Res.* **1994**, *262*, 335–341.
- [11] K. Takeo, K. Shinmitsu, *Carbohydr. Res.* **1984**, *133*, 135–145.
- [12] K. Takeo, K. Mine, T. Kuge, *Carbohydr. Res.* **1976**, *48*, 197–208.
- [13] S. Kobayashi, J. Shimada, K. Kashiwa, S.-I. Koda, *Macromolecules* **1992**, *25*, 3237–3241.
- [14] a) G. Avigad, D. Amaral, C. Asensio, B. L. Horecker, *J. Biol. Chem.* **1962**, *237*, 2736–2743; b) R. A. Schlegel, C. M. Gerbeck, R. Montgomery, *Carbohydr. Res.* **1968**, *7*, 193–199.
- [15] Für die verwendete Gluco-Amylase (Sigma) wurde eine geringe hydrolytische Aktivität festgestellt, die einer Verunreinigung mit α -Amylase zuzuschreiben ist.
- [16] Die Aktivität der α -Amylase ist kürzlich mit dem Amylase-Diagnostic-Kit (Sigma) und Nitrophenyl-4,6-ethylidenmaltoheptaosid als Substrat bestimmt worden.

Berichtigung

In der Zuschrift „Bildung und Struktur neuer Metallo- und Metallapolysulfane $[\text{MS}_y]^+$ ($y = 2-16$)“ von I. Dance, K. Fisher und G. Willett (*Angew. Chem.* **1995**, *107*, 215) muß in der Legende zu Abbildung 1 der Nebensatz „d.h. nach der völligen Umsetzung von Mn^{+4} “ gestrichen werden. Die Struktur rechts oben in Abbildung 4 entspricht dem $[\text{CuS}_{12}]^+$ -Isomer **3d** und nicht **3b**.